

Réception des échantillons, CDEVQ
Service de diagnostic
Faculté de médecine vétérinaire
Université de Montréal, 3220, rue Sicotte
Saint-Hyacinthe, Québec, Canada J2S 2M2

Rapport d'analyse ADN

Nom : Willowlakes Trouble Maker Oscar
Race : Cavalier King Charles **Sexe :** mâle **Age :** 1 ans 5 mois
I.D. : 956000011054589
Dossier : GJ3984393
Propriétaire : Anne-Marie Clément et Jean-Philippe Poisson
Adresse : 608 rue Des Rouges-Gorges, Saint-Lambert de Lauzon, Québec. G0S 2W0
Téléphone : 418-889-1315
Courriel : info@gordonsetter.ca

Reçu le : 2020-10-21
Analyse : 2020-10-28
Échantillon : 2415572
Cas : M416-1233

Analyse de la myélopathie dégénérative (gène *SOD1*, c.118 G>A, exon2)

Résultat :

N/N

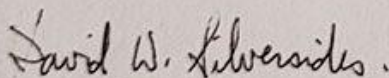
Interprétation des codes :

- N/N** Homozygote normal du gène *SOD1* (deux copies normales)
M/N Hétérozygote de la mutation du gène *SOD1* (une copie normale, une copie mutée)
M/M Homozygote de la mutation du gène *SOD1* (deux copies mutées)

N/N Homozygote (« clear ») : L'animal est homozygote normal pour le gène *SOD1*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes de myélopathie dégénérative. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra le gène normal à 100% de sa descendance.

M/N Hétérozygote (porteur) : L'animal est hétérozygote (porteur) pour la mutation du gène *SOD1*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes de myélopathie dégénérative. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 50% (en moyenne) de sa descendance.

M/M Homozygote (à risque) : L'animal est homozygote muté pour le gène *SOD1*. L'animal présente un risque d'avoir les symptômes de myélopathie dégénérative. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 100% de sa descendance.



Dr. David W. Silversides, DMV, PhD

Réception des échantillons, CDEVQ
Service de diagnostic
Faculté de médecine vétérinaire
Université de Montréal, 3220, rue Sicotte
Saint-Hyacinthe, Québec, Canada J2S 2M2

Rapport d'analyse ADN

Nom : Willowlakes Trouble Maker Oscar
Race : Cavalier King Charles **Sexe :** mâle **Age :** 1 ans 5 mois
I.D. : 956000011054589
Dossier : GJ3984393
Propriétaire : Anne-Marie Clément et Jean-Philippe Poisson
Adresse : 608 rue Des Rouges-Gorges, Saint-Lambert de Lauzon, Québec G0S 2W0
Téléphone : 418-889-1315
Courriel : info@gordonsetter.ca

Reçu le : 2020-10-21
Analyse : 2020-10-26
Échantillon : 2415572
Cas : M436-16

Analyse de Macrothrombocytopénie congénitale (gène *TUBB1* ; c.745 G>A, exon5)

Résultat : **M/N**

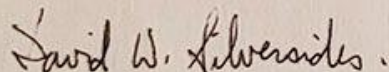
Interprétation des codes :

N/N Homozygote normal du gène *TUBB1* (deux copies normales)
M/N Hétérozygote de la mutation du gène *TUBB1* (une copie normale, une copie mutée)
M/M Homozygote de la mutation du gène *TUBB1* (deux copies mutées)

N/N Homozygote (« clear ») : L'animal est homozygote normal pour le gène *TUBB1*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes de macrothrombocytopénie congénitale. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra le gène normal à 100% de sa descendance.

M/N Hétérozygote (porteur) : L'animal est hétérozygote (porteur) pour la mutation du gène *TUBB1*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes de macrothrombocytopénie congénitale. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 50% (en moyenne) de sa descendance.

M/M Homozygote (à risque) : L'animal est homozygote muté pour le gène *TUBB1*. L'animal présente un risque d'avoir les symptômes de macrothrombocytopénie congénitale. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 100% de sa descendance.



Dr. David W. Silversides, DMV, PhD

Réception des échantillons, CDEVQ
Service de diagnostic
Faculté de médecine vétérinaire
Université de Montréal, 3220, rue Sicotte
Saint-Hyacinthe, Québec, Canada J2S 2M2

Rapport d'analyse ADN

Nom : Willowlakes Trouble Maker Oscar
Race : Cavalier King Charles **Sexe :** mâle **Age :** 1 ans 5 mois
I.D. : 956000011054589
Dossier : GJ3984393
Propriétaire : Anne-Marie Clément et Jean-Philippe Poisson
Adresse : 608 rue Des Rouges-Gorges, Saint-Lambert de Lauzon, Québec G0S 2W0
Téléphone : 418-889-1315
Courriel : info@gordonsetter.ca

Reçu le : 2020-10-21
Analyse : 2020-10-26
Échantillon : 2415572
Cas : M477-38

Analyse du Syndrome de l'œil sec et du poil frisé (gène *FAM83H* ; c.1015 dél.C, exon5)

Résultat : **N/N**

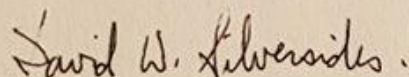
Interprétation des codes :

- N/N** Homozygote normal du gène *FAM83H* (deux copies normales)
M/N Hétérozygote de la mutation du gène *FAM83H* (une copie normale, une copie mutée)
M/M Homozygote de la mutation du gène *FAM83H* (deux copies mutées)

N/N Homozygote (« clear ») : L'animal est homozygote normal pour le gène *FAM83H*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes du syndrome de l'œil sec et du poil frisé. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra le gène normal à 100% de sa descendance.

M/N Hétérozygote (porteur) : L'animal est hétérozygote (porteur) pour la mutation du gène *FAM83H*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes du syndrome de l'œil sec et du poil frisé. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 50% (en moyenne) de sa descendance.

M/M Homozygote (à risque) : L'animal est homozygote muté pour le gène *FAM83H*. L'animal présente un risque d'avoir les symptômes du syndrome de l'œil sec et du poil frisé. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 100% de sa descendance.



Dr. David W. Silversides, DMV, PhD

Réception des échantillons, CDEVQ
Service de diagnostic
Faculté de médecine vétérinaire
Université de Montréal, 3220, rue Sicotte
Saint-Hyacinthe, Québec, Canada J2S 2M2

Rapport d'analyse ADN

Nom : Willowlakes Trouble Maker Oscar
Race : Cavalier King Charles Sexe : mâle Age : 1 ans 5 mois
I.D. : 956000011054589
Dossier : GJ3984393
Propriétaire : Anne-Marie Clément et Jean-Philippe Poisson
Adresse : 608 rue Des Rouges-Gorges, Saint-Lambert de Lauzon, Québec G0S 2W0
Téléphone : 418-889-1315
Courriel : info@gordonsetter.ca

Reçu le : 2020-10-21
Analyse : 2020-10-26
Échantillon : 2415572
Cas : M478-51

Analyse de Syndrome de chute épisodique (gène *BCAN* ; dél.15,7kb, exon1,2,3)

Résultat :

N/N

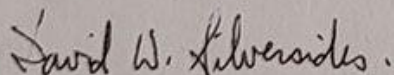
Interprétation des codes :

- N/N** Homozygote normal du gène *BCAN* (deux copies normales)
M/N Hétérozygote de la mutation du gène *BCAN* (une copie normale, une copie mutée)
M/M Homozygote de la mutation du gène *BCAN* (deux copies mutées)

N/N Homozygote (« clear ») : L'animal est homozygote normal pour le gène *BCAN*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes du syndrome de chute épisodique. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra le gène normal à 100% de sa descendance.

M/N Hétérozygote (porteur) : L'animal est hétérozygote (porteur) pour la mutation du gène *BCAN*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes du syndrome de chute épisodique. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 50% (en moyenne) de sa descendance.

M/M Homozygote (à risque) : L'animal est homozygote muté pour le gène *BCAN*. L'animal présente un risque d'avoir les symptômes du syndrome de chute épisodique. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 100% de sa descendance.



Dr. David W. Silversides, DMV, PhD